

# ESTUDOS GENÉTICOS DE *Cichla* E ANÁLISES DE CRUZAMENTOS INTERESPECÍFICOS ENTRE POPULAÇÕES INTRODUZIDAS NO ALTO RIO PARANÁ

VIVIANE FÁTIMA DE OLIVEIRA

CESUMAR - CENTRO UNIVERSITÁRIO DE MARINGÁ, MARINGÁ - PR

SONIA MARIA ALVES PINTO PRIOLI

UEM - UNIVERSIDADE ESTADUAL DE MARINGÁ

ALBERTO JOSÉ PRIOLI

UEM - UNIVERSIDADE ESTADUAL DE MARINGÁ

ALESSANDRA VALÉRIA DE OLIVEIRA

CESUMAR - CENTRO UNIVERSITÁRIO DE MARINGÁ

HORÁCIO FERREIRA JULIO JR

UEM - UNIVERSIDADE ESTADUAL DE MARINGÁ

O gene rDNA 5S é informativo e possui altas taxas de conservação ao longo do genoma dos eucariotos, possuindo características únicas que são hereditárias. Essas seqüências conservadas são responsáveis pela produção de RNA ribossômico na célula. Estudos moleculares do gene rDNA 5S vêm sendo realizados com diversos grupos, inclusive em algumas espécies de peixes, com o intuito de solucionar problemas de relações filogenéticas, extensão de isolamento sexual, padrão de ancestralidade e diversidade genética entre grupos de populações naturais. Espécies do gênero *Cichla*, introduzidas na bacia do alto rio Paraná, apresentam polimorfismos genéticos comprovados por análise de RAPD (Random Amplified Polymorphic DNA) e SPAR (Single Primers Amplifications Reactions). Essas espécies estão se inter cruzando e formando híbridos viáveis, com maior variabilidade genética. Esses híbridos podem causar impactos ecológicos sobre populações nativas. Dessa forma, é de fundamental importância a detecção desses indivíduos na região, para futuros estudos de ecologia e biologia desse gênero. O objetivo desse trabalho é padronizar a metodologia de amplificação de regiões não-transcritas da família multigênica rDNA 5S de *Cichla* e obter marcadores específicos para as espécies parentais e que podem também ser identificados nos híbridos. Foram analisados até o momento, 8 espécimes de *Cichla monoculus*, 8 de *Cichla* sp. e 8 híbridos, coletados em vários pontos da bacia do rio Paraná. A metodologia utilizada para a extração do DNA, foi baseada em fenol/clorofórmio. Após a extração e quantificação do DNA, foi iniciada a amplificação das regiões espaçadoras do rDNA 5S utilizando os primers A-55 e B-55. Para a separação dos produtos da amplificação utilizamos gel de agarose 1% corado com brometo de etídeo e para visualização, sistema de fotodocumentação Kodak EDAS 290. Os resultados parciais obtidos, demonstram que os primers utilizados se anelaram em regiões transcritas do gene, amplificando assim, as regiões não-transcritas o que proporcionou a obtenção de bandas específicas para as diferentes espécies de *Cichla* da bacia do rio Paraná, indicando que há divergências genéticas entre as populações. A obtenção de marcadores moleculares para as diferentes populações indica que esta é uma região informativa, sendo útil para identificação de indivíduos de diferentes espécies de *Cichla* e híbridos.

**Palavras-chave:** estudos moleculares; rdna 5s; cichla

[vikinha\\_bio@yahoo.com.br](mailto:vikinha_bio@yahoo.com.br)